

«УТВЕРЖДАЮ»

Директор ФБУН НИИ эпидемиологии
и микробиологии им. Пастера
академик РАН, профессор, д.м.н.

А.А. Гототян

« 30 »

2025 г.



ЗАКЛЮЧЕНИЕ

Федерального бюджетного учреждения науки «Санкт-Петербургский научно-исследовательский институт эпидемиологии и микробиологии им. Пастера»
Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека
(197101, г. Санкт-Петербург, ул. Мира, д. 14)

Диссертация в виде научного доклада Дедкова Владимира Георгиевича на тему: «Система молекулярно-эпидемиологического мониторинга для оперативного реагирования на возникающие биологические угрозы», представленная на соискание ученой степени доктора медицинских наук по специальностям 1.5.10. Вирусология и 3.2.2. Эпидемиология, выполнена в отделе эпидемиологии Федерального бюджетного учреждения науки «Санкт-Петербургский научно-исследовательский институт эпидемиологии и микробиологии им. Пастера» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека.

В период подготовки диссертации в виде научного доклада соискатель Дедков Владимир Георгиевич, с 2018 года по настоящее время занимает должность заместителя директора по научной работе и руководителя отдела эпидемиологии Федерального бюджетного учреждения науки «Санкт-Петербургский научно-исследовательский институт эпидемиологии и микробиологии им. Пастера» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека.

В 2008 году Дедков В.Г. окончил Государственное образовательное учреждение высшего профессионального образования «Московская медицинская академия имени И.М. Сеченова» Федерального агентства по здравоохранению и социальному развитию, присуждена квалификация – врач, по специальности «медико – профилактическое дело» (Диплом ВСГ 1143502 от 28.06.2008 г.).

В 2016 году Дедков В.Г. успешно защитил диссертацию на соискание ученой степени кандидата медицинских наук на тему: «Эпидемиологическая значимость вируса Кемерово на территории Российской Федерации» по специальности 14.02.02 Эпидемиология в диссертационном совете Д 208.114.01 в ФБУН «Центрального научно-исследовательского института эпидемиологии» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека.

Научный консультант – Попова Анна Юрьевна, доктор медицинских наук, профессор, руководитель Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека, главный государственный санитарный врач Российской Федерации.

По итогам обсуждения принято следующее заключение.

Оценка выполненной соискателем работы

Диссертационная работа в виде научного доклада Дедкова В.Г. является законченной научно-квалификационной работой, в которой на основании выполненных автором исследований предложена концепция модульного научно-исследовательского комплекса своевременного реагирования на биологические угрозы, позволяющая адекватно и оперативно отвечать на возникающие угрозы биологического характера. Созданный алгоритм экстренной разработки средств молекулярной детекции вирусов позволил соискателю разрабатывать диагностические наборы на основе метода ОТ-ПЦР/ПЦР РВ. Созданный алгоритм позволил разработать методики выявления генетических маркеров актуальных и особо опасных возбудителей вирусной этиологии.

Разработанные алгоритмы расшифровки этиологии инфекционных заболеваний, а также рутинного генетического мониторинга методами высокопроизводительного секвенирования позволили соискателю оперативно выявлять редко встречающиеся, либо неизвестные ранее патогены. Предложенная концепция оценки эпидемического потенциала вновь выявляемых и редких инфекционных агентов вирусной этиологии имеет важное значение для внедрения в эпидемиологический надзор, поскольку позволяет эмпирически оценить их потенциальную опасность и объем дополнительных исследований, необходимых для предотвращения распространения выявленной инфекции.

Актуальность работы

Феномен глобализации, т.е. растущий и все более свободный поток информации, товаров, капитала и людей через политические и географические границы, позволяет быстро распространяться инфекционным заболеваниям, как новым, так и давно известным, по всему миру. Распространение болезней в глобальных географических масштабах – явление характерное для всей истории человечества. Примерами таких болезней являются чума, холера, сифилис, грипп различных типов и другие заболевания. На примере пандемии свиного гриппа H1N1 2009 года, вспышек ближневосточного респираторного синдрома, вызванного коронавирусом и лихорадкой Зика, а также массовой эпизоотии гриппа птиц в 2003-2004 гг. было показано, что чрезвычайные ситуации, связанные с новыми инфекциями, могут представлять серьёзную угрозу для человека и подчёркивают необходимость новых подходов, к выявлению и мониторингу новых инфекционных заболеваний.

В зависимости от уровня социально-экономического развития удельный вес смертности от инфекций варьирует от 5% в Европе до 62% в Африке (Всемирная

организация здравоохранения, ВОЗ). В целом по статистике причин смерти на инфекционные болезни приходится около 18,8%.

Важнейшими факторами, усиливающими эпидемиологическую и социально-экономическую значимость инфекционных болезней, являются тенденции развития хозяйственной деятельности человека, которые характеризуются усиленным воздействием на окружающую среду вредных факторов промышленного производства и биологических отходов жизнедеятельности человека и сельскохозяйственных животных. В эпидемиологическом смысле чрезвычайно высокую опасность представляют собой вирусные инфекции, относящиеся к I группе патогенности и вызывающие высокую летальность: возбудители натуральной оспы, геморрагических лихорадок Марбург, Эбола, Ласса, аргентинской (вирус Хунин) и боливийской (вирус Мачупо) и др. Данные патогены хотя и не циркулируют на территории Российской Федерации, но могут быть завезены как гражданами нашей страны после посещения эндемичных регионов, так и гражданами государств Африки и Южной Америки, прибывающих в нашу страну на учебу или с прочими целями.

Не меньшую опасность представляют собой относящиеся ко II группе патогенности вирусы (возбудители клещевого энцефалита, омской геморрагической лихорадки, японского энцефалита, лихорадки Западного Нила, желтой лихорадки, лихорадки Денге, лихорадки Зика, Крымской-Конго геморрагической лихорадки и др.). Инфекционные заболевания, вызываемые этими агентами, относятся к трансмиссивным зоонозам и формируют в природной среде постоянно проявляющиеся очаги инфекции. Часть из них циркулирует на территории Российской Федерации, часть эндемична в странах, пользующихся популярностью у российских туристов. В этой связи наибольшее количество завозных случаев геморрагических лихорадок приходится на лихорадку Денге, общее количество случаев завоза которой в период с 2013 г. (начало регистрации) по 2023 г. составило 1577 случаев (данные Роспотребнадзора). С 2019 года и по настоящее время продолжается пандемия новой коронавирусной инфекции COVID-19, обусловленная вирусом SARS-CoV-2. По состоянию на 02.03.2025 года подтверждено 777594331 случаев заболевания, при этом 7089989 случая закончились смертельным исходом (ВОЗ). Несмотря на усилия мирового сообщества и объявленную ВОЗ чрезвычайную ситуацию, остановить развитие пандемии долго не удавалось. Мировые интеграционные процессы и глобализация мировой экономики облегчают миграцию населения из слаборазвитых государств с низким уровнем санитарно-эпидемиологической защиты в развитые страны. В результате этого увеличивается вероятность возникновения вспышек инфекционных болезней, ранее не регистрируемых в странах, принимающих иммигрантов. Ситуация еще более усложняется в связи с бурным развитием международного туризма и экотуризма, которые сопровождаются вторжением в сбалансированные экосистемы, возникновением контактов с животными и

насекомыми, являющимися природными резервуарами ранее неизвестных вирусных инфекций.

Данные обстоятельства в совокупности с резкими социально-экономическими изменениями в последние годы не способствуют улучшению экологической и санитарно-эпидемиологической обстановки в мире. Наблюдается рост числа заболеваний неясной этиологии на фоне падения напряженности коллективного иммунитета, особенно в условиях высокой плотности населения в мегаполисах.

Санитарно-эпидемиологический надзор за инфекционными болезнями включает систему методов и средств их лабораторной диагностики. Быстрое, точное выявление и характеристика возбудителя инфекционных заболеваний - определяющий фактор для своевременного проведения профилактических и противоэпидемических мероприятий.

В связи с вышесказанным, необходимость создания Национальной системы молекулярно-генетического мониторинга с целью оперативного реагирования на вновь возникающие угрозы является чрезвычайно важной проблемой, стоящей перед эпидемиологическим сообществом.

Научная новизна

1. Получены 15 полногеномных последовательностей опасных вирусов Эбола Заир (Orthoebolavirus), Крымской-Конго геморрагической лихорадки (Orthonairovirus), Нгари (Orthobunyavirus), а также вирусов Дугбе (Orthonairovirus), Парамушир (Orthonairovirus), Вад Медани (Orbivirus) – потенциальных возбудителей инфекционных заболеваний человека и животных.
2. Оценено генетическое разнообразие вирусов Парамушир, Вад Медани, Дугбе, Нгари и механизмы его формирования.
3. Впервые показана способность множественной межсегментной внутривидовой реассортации вирусов Парамушир, Вад-Медани, Дугбе, Нгари.
4. Разработана концепция модульного научно-исследовательского комплекса своевременного реагирования на биологические угрозы.
5. Создан алгоритм экстренной разработки диагностических систем в формате ОТ-ПЦР-РВ с целью оперативного реагирования на вновь возникающие угрозы инфекционного характера.
6. Разработаны подходы использования высокопроизводительного секвенирования для оперативной расшифровки этиологии инфекционных заболеваний, а также для рутинного генетического мониторинга.
7. Предложена система оценки эпидемической опасности вновь выявляемых и редких инфекционных агентов вирусной этиологии.

Теоретическая и практическая значимость работы

- Разработаны молекулярно-диагностические методики для выявления генетических маркеров вирусов рода Эбола и рода Марбург, вируса Ласса, вируса Луио, вируса клещевого энцефалита, коронавируса SARS-CoV-2, вируса оспы обезьян, модифицированного вакцинного штамма (nOPV2) типа 2 вируса полиомиелита, вируса кори, вируса Нипах, вируса SFTSV, вируса Хунина, вируса

Хендра, вируса Гуанарито, вируса Мачупо, вируса Крымской геморрагической лихорадки.

- Депонированы в международную базу GenBank NCBI 2 нуклеотидные последовательности вируса Парамушир, 1 последовательность вируса Вад Медани, 2 последовательности вирусов бешенства, 2 последовательности вируса Нгари, 2 последовательности вируса Дугбе, 2 последовательности вируса Эбола Заир.

- Разработана методика высокопроизводительного секвенирования вирусов Эбола Заир, Парамушир, Дугбе.

- Разработанные молекулярно-диагностические методики послужили основой для создания диагностических наборов АмплиСенс® EBOV-Zaire-F1 (ПУ РЗН 2014/2036), АмплиСенс® FiloA-screen-F1 (ПУ РЗН 2018/7265), АмплиСенс® FiloB-screen-F1, АмплиСенс® RABV-F1, АмплиСенс® LASV-F1 COVID-19Amp (ПУ РЗН 2020/10498), nOPV2-AmpPS (ПУ МИ-RUBY-000108), MPX-AmpPS, MV-AmpPS (ПУ МИ-RUBY-000105), NIPV- AmpPS, HENV-AmpPS, которые внедрены в практику.

Личное участие автора в получении результатов, изложенных в диссертации в виде научного доклада

Планирование исследования проводилось лично автором. Основной объём исследования проведён автором работы самостоятельно. Непосредственно автором разработан дизайн диагностических методик в формате обратной транскрипции с последующей полимеразной цепной реакцией в режиме реального времени (ОТ-ПЦР РВ) для выявления генетических маркеров филовирсов, аренавирусов, вируса бешенства, вируса SARS-CoV-2. Автор лично участвовал в проведении клинической апробации разработанных методик, в том числе во время эпидемии лихорадки Эбола в 2014 г. выезжал с целью авторского надзора за использованием методики выявления вируса Эбола Заир в Республику Гвинея.

Непосредственно автором осуществлялась предварительная пробоподготовка для последующего секвенирования высокопроизводительными методами. Также автор осуществлял сборку геномов, сравнительный и филогенетический анализ полученных последовательностей, их аннотацию и депонирование в базу данных GenBank, систематизирование и эпидемиологическую оценку полученных данных.

Отдельные этапы работы, выполненные на базе научной группы генной инженерии и биотехнологии Федерального бюджетного учреждения науки «Центральный научно-исследовательский институт эпидемиологии» Роспотребнадзора (ФБУН ЦНИИЭ), лаборатории молекулярной генетики патогенных микроорганизмов и лаборатории молекулярно-генетического мониторинга Федерального бюджетного учреждения науки «Санкт-Петербургский научно-исследовательский институт эпидемиологии и микробиологии им. Пастера» Роспотребнадзора (ФБУН НИИЭМ им. Пастера) производились при участии сотрудников учреждений. Концепция оценки эпидемической опасности вновь выявляемых и редких инфекционных агентов вирусной этиологии была разработана совместно с к.б.н. Сафоновой М.В. (ФКУЗ Противочумный центр Роспотребнадзора) и к.б.н. Долговой А.С. (ФБУН НИИЭМ им. Пастера)

Роспотребнадзора). Сафонова М.В. и Долгова А.С. внесли существенный вклад в отдельные этапы исследования, за что автор выражает им глубокую признательность.

Соответствие паспорту научной специальности

Научные положения диссертации в виде научного доклада соответствуют специальностям 1.5.10. Вирусология и 3.2.2. Эпидемиология. Результаты проведенного исследования соответствуют областям исследований пунктам: 4. Молекулярная биология вирусов, структурно-функциональная биология вирусных белков. Структура и экспрессия вирусных геномов. Эволюция вирусов и их разнообразие. Генетика и геномика вирусов. Популяционная генетика; 6. Проблемы патогенности вирусов, цитопатологии инфицированных вирусом клеток и тканей, изучение патогенеза вирусных инфекций, путей проникновения вируса в организм и распространения вирусов в организме; 8. Проблемы экологии вирусов, их географического распространения, эпидемиологии и путей распространения вирусных инфекций, изучение путей передачи вирусов, их носительства, выявление естественных хозяев; 10. Разработка мер предупреждения, диагностики и лечения вирусных заболеваний, совершенствование лабораторной диагностики, терапии, и иммунопрофилактики вирусных инфекций, проблемы санитарной вирусологии, паспорта специальности 1.5.10. Вирусология и пунктам: 5. Разработка и совершенствование систем эпидемиологического надзора и социально-гигиенического мониторинга, предэпидемической диагностики для эффективного управления заболеваемостью и сохранения здоровья населения; 6. Разработка новых и усовершенствование профилактических, противоэпидемических средств и мероприятий, а также новых организационных форм управления заболеваемостью для снижения потерь здоровья населения; 8. Разработка и усовершенствование системы противоэпидемических мероприятий при чрезвычайных ситуациях, паспорта специальности 3.2.2. Эпидемиология.

Диссертационное исследование Дедкова В.Г. посвящено молекулярно-генетической характеристике особо опасных и редких вирусов, а также разработке средств их молекулярной диагностики. В структуре представленной к защите диссертации в форме научного доклада данный фрагмент работы составляет 70% текста, что соответствует специальности 1.5.10. Вирусология, кроме того, в работе представлена концепция оценки эпидемического потенциала возбудителей заболеваний вирусной этиологии, характеризующихся природной очаговостью, данный фрагмент исследования соответствует специальности 3.2.2. Эпидемиология.

Внедрение полученных результатов

Материалы диссертационного исследования используются в работе лаборатории идентификации патогенов, ФБУН НИИ эпидемиологии и микробиологии имени Пастера при проведении молекулярных исследований, связанных с диагностикой и генетической характеристикой возбудителей природно-очаговых, актуальных и редких инфекций. Полученные результаты позволяют

проводить на современном уровне исследования инфекционной заболеваемости, как в Российской Федерации, так и за рубежом.

Полнота изложения материалов диссертации в виде научного доклада в работах, опубликованных соискателем

Научная деятельность Дедкова В.Г. отражена в 226 научных работах. По теме диссертационного исследования опубликовано 72 научные публикации, из них статей, опубликованных в Перечне рецензируемых научных изданий, в которых должны быть опубликованы основные научные результаты диссертаций на соискание ученых степеней доктора (Перечень ВАК), а также индексируемых в международных базах Web of Science, Scopus – 52 (Квартиль WoS/Scopus Q1, Q2, ВАК: K1, K2), научных обзоров – 3, глав монографий – 14, получено патентов на изобретение РФ – 17.

Основные научные результаты диссертации в виде научного доклада отражены в следующих публикациях:

1. **Dedkov V.G.**, Lukashev A.N., Deviatkin A.A., Kuleshov K.V., Safonova M.V., Poleshchuk E.M., Drexler J.F., Shipulin G.A. / Retrospective diagnosis of two rabies cases in humans by high throughput sequencing // Journal of Clinical Virology. – 2016. – V. 78. – P. 74-81. DOI: 10.1016/j.jcv.2016.03.012 Импакт-фактор: 3.4. Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q1**
2. **Dedkov V.G.**, Magassouba N.F., Safonova M.V., Deviatkin A.A., Dolgova A.S., Pyankov O.V., Sergeev A.A., Utkin D.V., Odinkov G.N., Safronov V.A., Agafonov A.P., Maleev V.V., Shipulin G.A. / Development and evaluation of a real-time RT-PCR assay for the detection of Ebola virus (Zaire) during an Ebola outbreak in Guinea in 2014-2015 // Journal of Virological Methods. – 2016. – V. 228. – P. 26-30. DOI: 10.1016/j.jviromet.2015.11.007 Импакт-фактор: 1.6. Квартиль Web of Science: **Q4**. Квартиль Scopus: **Q3**
3. Kuleshov K.V., Vodop'ianov S.O., **Dedkov V.G.**, Markelov M.L., Deviatkin A.A., Kruglikov V.D., Vodop'ianov A.S., Pisanov R.V., Mazrukho A.B., Titova S.V., Maleev V.V., Shipulin G.A. / Travel-Associated Vibrio cholerae O1 El Tor, Russia // Emerging Infectious Diseases. – 2016. – V. 22. – N. 11. – P. 2006-2008. DOI: 10.3201/eid2211.151727 Импакт-фактор: 6.6. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**
4. Deviatkin A.A., Lukashev A.N., Poleshchuk E.M., **Dedkov V.G.**, Tkachev S.E., Sidorov G.N., Karganova G.G., Galkina I.V., Shchelkanov M.Y., Shipulin G.A. / The phylodynamics of the rabies virus in the Russian Federation // PLoS One. – 2017. – V. 12. – N. 2. – e0171855. DOI: 10.1371/journal.pone.0171855 Импакт-фактор: 2.6. Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q1**
5. Varizhuk A.M., Zatsepin T.S., Golovin A.V., Belyaev E.S., Kostyukevich Y.I., **Dedkov V.G.**, Shipulin G.A., Shpakovski G.V., Aralov A.V. / Synthesis of oligonucleotides containing novel G-clamp analogue with C8-tethered group in phenoxazine ring: Implication to qPCR detection of the low-copy Kemerovo virus dsRNA // Bioorganic & Medicinal Chemistry. – 2017. – V. 25. – N. 14. – P. 3597-3605.

DOI: 10.1016/j.bmc.2017.03.062 Импакт-фактор: 3.0. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

6. Щелканов М.Ю., **Дедков В.Г.**, Галкина И.В., Магассуба Н.Ф., Зуманиги Н., Шипулин Г.А., Попова А.Ю., Малеев В.В. / Районирование Африканской природно-очаговой провинции в отношении филовирусных лихорадок // Вестник Российской академии медицинских наук. – 2017. – Т. 72. – № 5. – С. 325-335.

DOI: 10.15690/vramn804 Импакт-фактор: 1.198. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q4**. ВАК: **K1**

7. Щелканов М.Ю., Магассуба Н.Ф., **Дедков В.Г.**, Шипулин Г.А., Галкина И.В., Попова А.Ю., Малеев В.В. / Природный резервуар филовирусов и типы связанных с ними эпидемических вспышек на территории Африки // Вестник Российской академии медицинских наук. – 2017. – Т. 72. – № 2. – С. 112-119.

DOI: 10.15690/vramn803 Импакт-фактор: 1.198. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q4**. ВАК: **K1**

8. **Dedkov V.G.**, Shchelkanov M.Y., Bushkueva B.T., Rudenko T.A., Kurdyukova O.V., Galkina I.V., Sapotsky M.V., Blinova E.A., Dzhambinov S.D., Shipulin G.A. / A neonatal death associated with Crimean-Congo hemorrhagic fever (Republic of Kalmykia, Russia, June 2016) // Antiviral Research. – 2017. – V. 146. – P. 146-148.

DOI: 10.1016/j.antiviral.2017.08.018 Импакт-фактор: 4.0. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

9. **Dedkov V.G.**, Simonova E.G., Beshlebova O.V., Safonova M.V., Stukolova O.A., Verigina E.V., Savinov G.V., Karaseva I.P., Blinova E.A., Granitov V.M., Arsenjeva I.V., Shipulin G.A. / The burden of tick-borne diseases in the Altai region of Russia // Ticks and Tick-Borne Diseases. – 2017. – V. 8. – N. 5. – P. 787-794.

DOI: 10.1016/j.ttbdis.2017.06.004 Импакт-фактор: 3.4. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

10. **Dedkov V.G.**, Deviatkin A.A., Poleshchuk E.M., Safonova M.V., Blinova E.A., Shchelkanov M.Y., Sidorov G.N., Simonova E.G., Shipulin G.A. / Development and evaluation of a RT-qPCR assay for fast and sensitive rabies diagnosis // Diagnostic Microbiology and Infectious Disease. – 2018. – V. 90. – N. 1. – P. 18-25.

DOI: 10.1016/j.diagmicrobio.2017.09.009 Импакт-фактор: 1.8. Квартиль Web of Science: **Q3**. Квартиль Scopus: **Q2**

11. Бесхлебова О.В., Гранитов В.М., **Дедков В.Г.**, Арсеньева И.В. / Клещевые инфекции с природной очаговостью в Алтайском крае: настоящее и будущее // Бюллетень медицинской науки. – 2018. – Т. 12. – № 4. – С. 39-44.

Импакт-фактор: 0.56. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: -. ВАК: **K3**

12. **Дедков В.Г.**, Найденова Е.В., Magassouba N.F., Айгинин А.А., Soropogui B., Kourouma F., Samara A.B., Samara J., Крицкий А.А., Щелканов М.Ю., Малеев В.В. / Разработка и испытание метода выявления РНК вируса Ласса на основе полимеразной цепной реакции с обратной транскрипцией в режиме реального времени // Проблемы особо опасных инфекций. – 2018. – Т. 4. – С. 39-47.

DOI: 10.21055/0370-1069-2018-4-39-47 Импакт-фактор: 1.0. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q4**. ВАК: **K1**

13. Семенцова А.О., **Дедков В.Г.**, Терновой В.А., Чуб Е.В., Пьянков С.А., Агафонов А.П., Максютлов Р.А., Малеев В.В., Попова А.Ю. / Клиническая лабораторная диагностика лихорадки Эбола. Анализ существующих методик и диагностических средств. // Журнал микробиологии, эпидемиологии и иммунобиологии. – 2018. – Т. 95. – № 3. – С. 105-116. DOI: 10.36233/0372-9311-2018-3-105-116 Импакт-фактор: 1.701. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q4**. ВАК: **K1**

14. **Dedkov V.G.**, Magassouba N.F., Safonova M.V., Bodnev S.A., Pyankov O.V., Camara J., Sylla B., Agafonov A.P., Maleev V.V., Shipulin G.A. / Sensitive Multiplex Real-time RT-qPCR Assay for the Detection of Filoviruses // Health Security. – 2018. – V. 16. – N. 1. – P. 14-21. DOI: 10.1089/hs.2017.0027 Импакт-фактор: 1.6. Квартиль Web of Science: **Q3**. Квартиль Scopus: **Q2**

15. Ayginin A.A., Pimkina E.V., Matsvay A.D., Speranskaya A.S., Safonova M.V., Blinova E.A., Artyushin I.V., **Dedkov V.G.**, Shipulin G.A., Khafizov K. / The Study of Viral RNA Diversity in Bird Samples Using De Novo Designed Multiplex Genus-Specific Primer Panels // Advances in Virology. – 2018. – V. 1. – P. 3248285. DOI: 10.1155/2018/3248285 Импакт-фактор: 1.4. Квартиль Web of Science: **Q4**. Квартиль Scopus: **Q4**

16. Litov A.G., Deviatkin A.A., Goptar I.A., **Dedkov V.G.**, Gmyl A.P., Markelov M.L., Shipulin G.A., Karganova G.G. / Evaluation of the population heterogeneity of TBEV laboratory variants using high-throughput sequencing // Journal of General Virology. – 2018. – V. 99. – N. 2. – P. 240-245. DOI: 10.1099/jgv.0.001003 Импакт-фактор: 4.3. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q2**

17. **Dedkov V.G.**, Magassouba N.F., Safonova M.V., Naydenova E.V., Ayginin A.A., Soropogui B., Kourouma F., Camara A.B., Camara J., Kritziy A.A., Tuchkov I.V., Shchelkanov M.Y., Maleev V.V. / Development and Evaluation of a One-Step Quantitative RT-PCR Assay for Detection of Lassa Virus // Journal of Virological Methods. – 2019. – V. 271. – P. 113674. DOI: 10.1016/j.jviromet.2019.113674 Импакт-фактор: 1.6. Квартиль Web of Science: **Q4**. Квартиль Scopus: **Q3**

18. Safonova M.V., Shchelkanov M.Y., Khafizov K.F., Matsvay A.D., Ayginin A.A., Dolgova A.S., Shchelkanov E.M., Pimkina E.V., Speranskaya A.S., Galkina I.V., **Dedkov V.G.** / Sequencing and genetic characterization of two strains Paramushir virus obtained from the Tyuleniy Island in the Okhotsk Sea (2015) // Ticks and Tick-Borne Diseases. – 2019. – V. 10. – N. 2. – P. 269-279. DOI: 10.1016/j.ttbdis.2018.11.004 Импакт-фактор: 3.4. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

19. Kiselev D.A., Matsvay A.D., Abramov I.S., **Dedkov V.G.**, Shipulin G.A., Khafizov K.F. / Current Trends in Diagnostics of Viral Infections of Unknown Etiology // Viruses. – 2020. – V. 12. – N. 2. – P. 211. DOI: 10.3390/v12020211 Импакт-фактор: 3.5. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.

20. Щелканов М.Ю., Попова А.Ю., **Дедков В.Г.**, Акимкин В.Г., Малеев В.В. / История изучения и современная классификация коронавирусов (Nidovirales: Coronaviridae) // Инфекция и иммунитет. – 2020. – Т. 10. – № 2. – С. 221-246. DOI: 10.15789/2220-7619-NOI-1412 Импакт-фактор: 1.048. ВАК: **K1**.
21. Хафизов К.Ф., Сперанская А.С., Мацвай А.Д., Шипулин Г.А., **Дедков В.Г.** / Передовые технологии в диагностике вирусных заболеваний неясной этиологии // Инфекция и иммунитет. – 2020. – Т. 10. – № 1. – С. 9-25. DOI: 10.15789/2220-7619-ATI-824 Импакт-фактор: 1.048. Квартиль Web of Science: **Q4**. Квартиль Scopus: **Q4**. ВАК: **K1**
22. Naidenova E.V., Zakharov K.S., Kartashov M.Y., Agafonov D.A., Senichkina A.M., Magassouba N.F., Nourdine I., Nassour A.A., Bah M.B., Kourouma A., Boumbali S., Boiro M.Y., Scherbakova S.A., Kuttyrev V.V., **Dedkov V.G.** / Prevalence of Crimean-Congo hemorrhagic fever virus in rural areas of Guinea // Ticks and Tick-Borne Diseases. – 2020. – V. 11. – N. 5. – P. 101475. DOI: 10.1016/j.ttbdis.2020.101475 Импакт-фактор: 3.4. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**
23. Samoilov A.E., Stoyanova N.A., Tokarevich N.K., Evengard B., Zueva E.V., Panferova Y.A., Ostankova Y.V., Zueva E.B., Valutite D.E., Kovalev E.V., Litovko A.R., Goncharov A.U., Semenov A.V., Khafizov K.F., **Dedkov V.G.** / Lethal Outcome of Leptospirosis in Southern Russia: Characterization of Leptospira Interrogans Isolated from a Deceased Teenager // International Journal of Environmental Research and Public Health. – 2020. – V. 17. – N. 12. – P. 4238. DOI: 10.3390/ijerph17124238 Импакт-фактор: 4.614. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q2**
24. Safonova M.V., Gmyl A.P., Lukashev A.N., Speranskaya A.S., Neverov A.D., Fedonin G.G., Pimkina E.V., Matsvay A.D., Khafizov K.F., Karganova G.G., Kozlovskaya L.I., Valdokhina A.V., Bulanenko V.P., **Dedkov V.G.** / Genetic diversity of Kemerovo virus and phylogenetic relationships within the Great Island virus genetic group // Ticks and Tick-Borne Diseases. – 2020. – V. 11. – N. 2. – P. 101333. DOI: 10.1016/j.ttbdis.2019.101333 Импакт-фактор: 3.4. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**
25. Попова А.Ю., Ежлова Е.Б., Мельникова А.А., Историк О.А., Мосевич О.С., Лялина Л.В., Смирнов В.С., Черный М.А., Балабышева Н.С., Логинова И.С., Владимирова О.С., Самоглядова И.С., Васев Н.А., Румянцева С.В., Чупалова Е.Ю., Селиванова Г.В., Муравьева М.В., Тимофеева Л.В., Ханкишиева Э.Н., Тильчевская В.Д., Никитенко Н.Д., Костеницкая Н.В., Виркунен Н.В., Климкина И.М., Кузьмина Т.М., Дегтяренко Н.В., Баунова А.И., Филиппова Л.А., Пальчикова Н.А., Кукушкин А.В., Арсентьева Н.А., Бацунов О.К., Богумильчик Е.А., Воскресенская Е.А., Дробышевская В.Г., Зуева Е.В., Кокорина Г.И., Курова Н.Н., Любимова Н.Е., Ферман Р.С., Хамдулаева Г.Н., Хамитова И.В., Хорькова Е.В., Миличкина А.М., **Дедков В.Г.**, Тотолян А.А. / Оценка популяционного иммунитета к SARS-CoV-2 среди населения Ленинградской области в период эпидемии COVID-19 // Проблемы особо опасных инфекций. – 2020. – Т. 3. – С. 114-123. DOI: 10.21055/0370-1069-2020-

3-114-123 Импакт-фактор: 1.0. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q4**.
BAK: **K1**

26. Goncharova E.A., **Dedkov V.G.**, Dolgova A.S., Kassirov I.S., Safonova M.V., Voytsekhovskaya Y.A., Totolian A.A. / One-step quantitative RT-PCR assay with armored RNA controls for detection of SARS-CoV-2 // Journal of Medical Virology. – 2021. – V. 93. – N. 3. – P. 1694-1701. DOI: 10.1002/jmv.26540 Импакт-фактор: 4.6. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

27. **Dedkov V.G.**, Dolgova A.S., Safonova M.V., Samoilov A.E., Belova O.A., Kholodilov I.S., Matsvay A.D., Speranskaya A.S., Khafizov K., Karganova G.G. / Isolation and characterization of Wad Medani virus obtained in the tuva Republic of Russia // Ticks and Tick-Borne Diseases. – 2021. – V. 12. – N. 2. – P. 101612. DOI: 10.1016/j.ttbdis.2020.101612 Импакт-фактор: 3.4. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

28. Gladkikh A.S., Dolgova A.S., **Dedkov V.G.**, Sbarzaglia V.A., Kanaeva O.I., Popova A.U., Totolian A.A. / Characterization of a Novel SARS-CoV-2 Genetic Variant with Distinct Spike Protein Mutations // Viruses. – 2021. – V. 13. – N. 6. – P. 1029. DOI: 10.3390/v13061029 Импакт-фактор: 3.5. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

29. **Dedkov V.G.**, Magassouba N.F., Stukolova O.A., Savina V.A., Camara J., Soropogui B., Safonova M.V., Semizhon P., Platonov A.E. / Differential Laboratory Diagnosis of Acute Fever in Guinea: Preparedness for the Threat of Hemorrhagic Fevers // International Journal of Environmental Research and Public Health. – 2021. – V. 18. – N. 11. – P. 6022. DOI: 10.3390/ijerph18116022 Импакт-фактор: 4.614. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q2**

30. Koopmans M., Daszak P., **Dedkov V.G.**, Dwyer D.E., Farag E., Fischer T.K., Hayman D.T.S., Leendertz F., Maeda K., Nguyen-Viet H., Watson J. / Origins of SARS-CoV-2: window is closing for key scientific studies // Nature. – 2021. – V. 596. – P. 482-485. DOI: 10.1038/d41586-021-02263-6 Импакт-фактор: 48.5. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

31. Volynkina A.S., Lisitskaya Y.V., Kolosov A.V., Shaposhnikova L.I., Pisarenko S.V., **Dedkov V. G.**, Dolgova A.S., Platonov A.E., Kulichenko A.N. / Molecular epidemiology of Crimean-Congo hemorrhagic fever virus in Russia // PLoS One. – 2022. – V. 17. – N. 5. – P. e0266177. DOI: 10.1371/journal.pone.0266177 Импакт-фактор: 2.6. Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q1**

32. Gladkikh A.S., **Dedkov V.G.**, Sharova A.A., Klyuchnikova E.O., Sbarzaglia V.A., Arbuzova T.V., Forghani M., Ramsay E., Dolgova A.S., Shabalina A.V., Tsyganova N.A., Totolian A.A. / Uninvited Guest: Arrival and Dissemination of Omicron Lineage SARS-CoV-2 in St. Petersburg, Russia // Microorganisms. – 2022. – V. 10. – N. 8. – P. 1676. DOI: 10.3390/microorganisms10081676 Импакт-фактор: 4.2. Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q2**

33. Gladkikh A.S., **Dedkov V.G.**, Sharova A.A., Klyuchnikova E.O., Sbarzaglia V.A., Kanaeva O.I., Arbuzova T.V., Tsyganova N.A., Popova A.U., Ramsay E., Totolian

A.A. / Epidemiological Features of COVID-19 in Northwest Russia in 2021 // Viruses. – 2022. – V. 14. – N. 5. – P. 931. DOI: 10.3390/v14050931 Импакт-фактор: 3.5. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

34. Найденова Е.В., Дедков В.Г., Агафонов Д.А., Сеничкина А.М., Сафонова М.В., Кутырев В.В. / Разработка и апробация способа выявления РНК вируса Луйо методом обратной транскрипции и полимеразной цепной реакции в режиме реального времени // Проблемы особо опасных инфекций. – 2021. – Т. 1. – С. 110-115. DOI: 10.21055/0370-1069-2021-1-110-115 Импакт-фактор: 1.0. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q4**. ВАК: **K1**

35. Dolgova A.S., **Dedkov V.G.**, Safonova M.V., Faye O. / Current View on Genetic Relationships within the Bunyamwera Serological Group // Viruses. – 2022. – V. 14. – N. 6. – P. 1135. DOI: 10.3390/v14061135 Импакт-фактор: 3.5. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

36. Акимкин В.Г., Попова А.Ю., Хафизов К.Ф., Дубоделов Д.В., Углева С.В., Семененко Т.А., Плоскирева А.А., Горелов А.В., Пшеничная Н.Ю., Ежлова Е.Б., Летюшев А.Н., Демина Ю.В., Кутырев В.В., Максютлов Р.А., Говорун В.М., Дятлов И.А., Тотолян А.А., Куличенко А.Н., Балахонов С.В., Рудаков Н.В., Троценко О.Е., Носков А.К., Зайцева Н.Н., Топорков А.В., Лиознов Д.А., Андреева Е.Е., Микаилова О.М., Комаров А.Г., Ананьев В.Ю., Молдованов В.В., Логунов Д.Ю., Гущин В.А., Дедков В.Г., Черкашина А.С., Кузин С.Н., Тиванова Е.В., Кондрашева Л.Ю., Саенко В.В., Селезов С.Ю., Гасанов Г.А., Сванадзе Н.Х., Глазов М.Б., Остроушко А.А., Миронов К.О., Есьман А.С. / Сообщение II: динамика циркуляции геновариантов вируса SARS-CoV-2 // Журнал микробиологии, эпидемиологии и иммунобиологии. – 2022. – Т. 99. – № 4. – С. 381-396. DOI: 10.36233/0372-9311-295 Импакт-фактор: 1.701. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q4**. ВАК: **K1**

37. Волков А.А., Долгова А.С., Дедков В.Г. / Молекулярные диагностические платформы, созданные на базе систем CRISPR/Cas // Инфекция и иммунитет. – 2022. – Т. 12. – №1. – С. 9-20. DOI: 10.15789/2220-7619-CCB-1843 Импакт-фактор: 1.048. ВАК: **K1**

38. Сафонова М.В., Симонова Е.Г., Лопатин А., Долгова А.С., Дедков В.Г. / Разработка критериев количественной оценки эпидемического потенциала природно-очаговых инфекций вирусной этиологии // Инфекция и иммунитет. – 2022. – Т. 12. – № 4. – С. 745-754. DOI: 10.15789/2220-7619-DOQ-1926 Импакт-фактор: 1.048. Квартиль Web of Science: **Q4**. Квартиль Scopus: **Q4**. ВАК: **K1**

39. Badji A., Ndiaye M., Gaye A., Dieng I., Ndiaye E.H., Dolgova A.S., Mhamadi M., Diouf B., Dia I., **Dedkov V.G.**, Faye O., Diallo M. / Detection of Crimean-Congo Haemorrhagic Fever Virus from Livestock Ticks in Northern, Central and Southern Senegal in 2021 // Tropical Medicine and Infectious Disease. – 2023. – V. 8. – N. 6. – P. 317. DOI: 10.3390/tropicalmed8060317 Импакт-фактор: 2.6. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q2**

40. Gladkikh A.S., Cao T.M., Klyuchnikova E.O., Dao M.H., Sharova A.A., Melnichenko V.D., Popova M.R., Arbuzova T.V., Sbarzaglia V.A., Tsyganova N.A., Ramsay E., **Dedkov V.G.** / Near complete genome sequences from Southern Vietnam revealed local features of genetic diversity and intergenerational changes in SARS-CoV-2 variants in 2020-2021 // *BMC Infectious Diseases*. – 2023. – V. 23. – N. 1. – P. 806. DOI: 10.1186/s12879-023-08814-8 Импакт-фактор: 3.0. Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q1**
41. Gladkikh A.S., Klyuchnikova E.O., Pavlova P.A., Sbarzaglia V.A., Tsyganova N.A., Popova M.V., Arbuzova T.V., Sharova A.A., Ramsay E., Samoilov A.E., **Dedkov V.G.**, Totolian A.A. / Comparative Analysis of Library Preparation Approaches for SARS-CoV-2 Genome Sequencing on the Illumina MiSeq Platform // *International Journal of Molecular Sciences*. – 2023. – V. 24. – N. 3. – P. 2374. DOI: 10.3390/ijms24032374 Импакт-фактор: 4.9. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**
42. Karas B.Y., Sitnikova V.E., Nosenko T.N., **Dedkov V.G.**, Arsentieva N.A., Gavrilenko N.V., Moiseev I.S., Totolian A.A., Kajava A.V., Uspenskaya M.V. / ATR-FTIR spectrum analysis of plasma samples for rapid identification of recovered COVID-19 individuals // *Journal of Biophotonics*. – 2023 – V. 16. – N. 7. – P. e202200166. DOI: 10.1002/jbio.202200166 Импакт-фактор: 2.3. Квартиль Web of Science: **Q3**. Квартиль Scopus: **Q2**
43. Kirichenko A.S., Bryushkova E.A., **Dedkov V.G.**, Dolgova A.S. / A Novel DNzyme-Based Fluorescent Biosensor for Detection of RNA-Containing Nipah Henipavirus // *Biosensors*. – 2023. – V. 13. – N. 2. – P. 252. DOI: 10.3390/bios13020252 Импакт-фактор: 5.6. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q2**
44. Mhamadi M., Dieng I., Dolgova A.S., Touré C.T., Ndiaye M., Diagne M.M., Faye B., Gladkikh A.S., **Dedkov V.G.**, Sall A.A., Faye O., Faye O. / Whole Genome Analysis of African Orthobunyavirus Isolates Reveals Naturally Interspecies Segments Recombinations between Bunyamwera and Ngari Viruses // *Viruses*. – 2023. – V. 15. – N. 2. – P. 550. DOI: 10.3390/v15020550 Импакт-фактор: 3.5. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**
45. Speranskaya A.S., Artiushin I.V., Samoilov A.E., Korneenko E.V., Khabudaev K.V., Ilina E.N., Yusefovich A.P., Safonova M.V., Dolgova A.S., Gladkikh A.S., **Dedkov V.G.**, Daszak P. / Identification and Genetic Characterization of MERS-Related Coronavirus Isolated from Nathusius' Pipistrelle (*Pipistrellus nathusii*) near Zvenigorod (Moscow Region, Russia), 2023 // *International Journal of Environmental Research and Public Health*. – 2023. – V. 20. – N. 4. – P. 3702. DOI: 10.3390/ijerph20043702 Импакт-фактор: 4.614. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q2**
46. Kirichenko A.S., Bryushkova E.A., Shabalina A.V., **Dedkov V.G.**, Dolgova A.S. / DNzyme as a method for Nipah Henipavirus Detection // *International Journal of Infectious Diseases*. – 2023. – V. 130. – P. S144-S145. DOI: 10.1016/j.ijid.2023.04.355 Импакт-фактор: 4.3. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

47. Жданов К.В., Мальцев О.В., Козлов К.В., Миклуш П.И., Передельский Е.В., Сидорчук С.Н., Кравчук Ю.А., Сигидаев А.С., **Дедков В.Г.**, Конушкалиев А.А. / Клинический случай тяжелого течения Крымской геморрагической лихорадки с длительной персистенцией возбудителя в сочетании с клещевым боррелиозом // Журнал инфектологии. – 2023. – Т. 15. – №2. – С. 156-161. DOI: 10.22625/2072-6732-2023-15-2-156-161 Импакт-фактор: 0.662. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: **Q4**. ВАК: **K1**
48. Кафтырева Л.А., Макарова М.А., Матвеева З.Н., Полев Д.Е., Саитова А.Т., **Дедков В.Г.** / Первые находки монофазной *Salmonella Typhimurium* в Санкт-Петербурге // Проблемы медицинской микологии. – 2023. – Т. 25. – № 3. – С. 3-9. DOI: 10.24412/1999-6780-2023-3-3-9 Импакт-фактор: 0.486. Квартиль Web of Science: -. Квартиль Scopus: -. ВАК: **K2**
49. Dolgova A.S., Kanaeva O.I., Antonov S.A., Shabalina A.V., Klyuchnikova E.O., Sbarzaglia V.A., Gladkikh A.S., Ivanova O.E., Kozlovskaya L.I., **Dedkov V.G.** / Qualitative real-time RT-PCR assay for nOPV2 poliovirus detection // Journal of Virological Methods. – 2024. – V. 329. – P. 114984. DOI: 10.1016/j.jviromet.2024.114984 Импакт-фактор: 1.6. Квартиль Web of Science: **Q4**. Квартиль Scopus: **Q3**
50. Ivanova, O.E., Ereemeeva T.P., Baykova O.Y., Krasota A.Y., Yakovchuk E.V., Shustova E.Y., Malyshkina L.P., Mustafina A. N.-I., Mikhailova Y.M., Chirova A.V., Cherepanova E.A., Morozova N.S., Gladkikh A.S., Dolgova A.S., **Dedkov V.G.**, Totolian A.A., Kozlovskaya L.I. / Detection of Polioviruses Type 2 among Migrant Children Arriving to the Russian Federation from a Country with a Registered Poliomyelitis Outbreak // Vaccines. – 2024. – V. 12. – N. 7. – P. 718. DOI: 10.3390/vaccines12070718 Импакт-фактор: 3.4. Квартиль Web of Science: **Q4**. Квартиль Scopus: **Q3**
51. Korneenko E.V., Samoilov A.E., Chudinov I.K., Butenko I.O., Sonets I.V., Artyushin I.V., Yusefovich A.P., Krusko S.V., Safonova M.V., Sinitsyn S.O., Klyuchnikova E.O., Gladkikh A.S., **Dedkov V.G.**, Speranskaya A.S., Daszak P. / Alphacoronaviruses from Pipistrellus bats captured in European Russia in 2015 and 2021 are closely related to those of Northern Europe // Frontiers in Ecology and Evolution. – 2024. – V. 12. – P. 1324605. DOI: 10.3389/fevo.2024.1324605 Импакт-фактор: 2.6. Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q1**
52. Ndiaye M., Badji A., Dieng I., Dolgova A.S., Mhamadi M., Kirichenko A.D., Gladkikh A.S., Gaye A., Faye O., Sall A.A., Diallo M., **Dedkov V.G.**, Faye O. / Molecular Detection and Genetic Characterization of Two Dugbe Orthonairovirus Isolates Detected from Ticks in Southern Senegal // Viruses. – 2024. – V.16. – N. 6. – P. 964. DOI: 10.3390/v16060964 Импакт-фактор: 3.5. Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**

Диссертация в виде научного доклада проверена в системе «Антиплагиат.Эксперт», проведенный анализ показал, что автором рукописи диссертации были правомерно использованы ранее опубликованные тексты в

объемах, оправданных целями цитирования, с указанием необходимых ссылок на используемые источники информации и соблюдением авторских прав правообладателей. Неправомерных совпадений 0%. Доля уникального авторского текста в работе может быть определена как сумма показателей «оригинальность» и «самоцитирования» и составляет 97,33%.

Степень достоверности и апробация результатов исследований

Материалы диссертационной работы доложены и обсуждены на следующих конференциях с международным участием: Международная научно-практическая конференция «Перспективы сотрудничества государств-членов Шанхайской организации сотрудничества в противодействии угрозе инфекционных болезней»-2015; The International Symposium System Biology and Biomedicine (SBioMed-2016), The 10th International Conference on bioinformatics of genome regulation and structure/systems biology. 2016; The 1st International Conference on North East Asia Biodiversity-2018; Молекулярная диагностика 2017; Молекулярная диагностика 2018 (BGRS/SB-2018); The 11th International Conference; «Молекулярная диагностика и биобезопасность - 2020». На всероссийских конференциях: «Эпидемиологическое благополучие-2021; «Профилактическая медицина-2022» к 100-летию государственной санитарно-эпидемиологической службы России; III Международная научно-практическая конференция по вопросам противодействия новой коронавирусной инфекции и другим инфекционным заболеваниям – 2022; XII Съезд Всероссийского общества эпидемиологов, микробиологов и паразитологов - 2022; Международный симпозиум - научная конференция «100 лет с именем Пастера» - 2023, IV Международный форум «Дни вирусологии 2023», а также на международных конференциях: ISID Congress 2022 (Kuala Lumpur, Malaysia) и 9th International Symposium on Filoviruses 2017 (Marburg, Germany).

Заключение

Диссертация в виде научного доклада Дедкова В.Г. на тему: «Система молекулярно-эпидемиологического мониторинга для оперативного реагирования на возникающие биологические угрозы», является завершенной научно-квалификационной работой, в которой выполнены исследования видового и субвидового разнообразия опасных и потенциально опасных возбудителей вирусных инфекций и разработаны подходы к изучению разнообразия и экологии вирусов позвоночных, обладающих эпидемическим потенциалом. Основные научные положения, выводы и практические рекомендации полностью отражают объем выполненного исследования. В диссертации в виде научного доклада изложены новые научно обоснованные решения, внедрение которых в практику эпидемиологического надзора позволят в значительной степени облегчить проведение метавирусных исследований, что создаст предпосылки для обнаружения редких и новых вирусов – потенциальных возбудителей заболеваний человека и животных.

Диссертация в виде научного доклада Дедкова В.Г. на тему: «Система молекулярно-эпидемиологического мониторинга для оперативного реагирования на возникающие биологические угрозы» соответствует требованиям, установленным в пп. 9-14 Положения «О порядке присуждения ученых степеней», утвержденным Постановлением Правительства Российской Федерации №842 от 24.09.2013 г. (с изменениями в ред. Постановлений Правительства РФ №335 от 21.04.2016 г.; №650 от 29.05.2017 г.; №1024 от 28.08.2017 г.; №1168 от 01.01.2018 г.; № 426 от 20.03.2021 г.; №101 от 26.01.2023 г.; №62 от 25.01.2024 г.; 16.10.2024 г. №1382 в действующей ред. с изменениями от 01.01.2025 г.), предъявляемым к диссертациям на соискание ученой степени доктора наук, ученой степени кандидата наук и рекомендуется к защите на соискание ученой степени доктора медицинских наук по специальностям 1.5.10. Вирусология, 3.2.2. Эпидемиология.

Заключение принято на заседании экспертной комиссии ФБУН НИИ эпидемиологии и микробиологии имени Пастера по подготовке заключения Ученого совета для предоставления в профильный диссертационный совет. Присутствовало на заседании 27 человек из 30 списочного состава, в том числе 19 докторов наук, 8 кандидатов наук. Результаты голосования: «за» - 27 чел., «против» - 0 чел., «воздержались» - 0 чел., (протокол № 17 от 18 декабря 2024 г.)

Председатель экспертной комиссии
по подготовке заключения Ученого совета
директор ФБУН НИИ эпидемиологии и микробиологии имени Пастера
академик РАН, профессор, доктор медицинских наук


Артем Артемович Тотолян

Секретарь экспертной комиссии
по подготовке заключения Ученого совета
ФБУН НИИ эпидемиологии и микробиологии имени Пастера
Ученый секретарь
кандидат медицинских наук


Галина Федоровна Трифонова

Подписи академика РАН Тотоляна А.А., к.м.н. Трифоновой Г.Ф. заверяю.

Начальник отдела кадров
ФБУН НИИ эпидемиологии и микробиологии имени Пастера

Л.В. Чебакова

« 30 »  2025 г.

