

ЗАКЛЮЧЕНИЕ ДИССЕРТАЦИОННОГО СОВЕТА 24.1.255.01, СОЗДАННОГО
НА БАЗЕ ФЕДЕРАЛЬНОГО ГОСУДАРСТВЕННОГО АВТОНОМНОГО
НАУЧНОГО УЧРЕЖДЕНИЯ «ФЕДЕРАЛЬНЫЙ НАУЧНЫЙ ЦЕНТР
ИССЛЕДОВАНИЙ И РАЗРАБОТКИ ИММУНОБИОЛОГИЧЕСКИХ
ПРЕПАРАТОВ ИМ. М.П. ЧУМАКОВА РАН» (ИНСТИТУТ ПОЛИОМИЕЛИТА)
МИНИСТЕРСТВА НАУКИ И ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ РОССИЙСКОЙ
ФЕДЕРАЦИИ, ПО ДИССЕРТАЦИИ В ВИДЕ НАУЧНОГО ДОКЛАДА НА
СОИСКАНИЕ УЧЕНОЙ СТЕПЕНИ ДОКТОРА НАУК

аттестационное дело № _____

решение диссертационного совета от 17.12.2025 г. № 39

О присуждении Дедкову Владимиру Георгиевичу, гражданину Российской Федерации, ученой степени доктора медицинских наук.

Диссертация в виде научного доклада «Система молекулярно-эпидемиологического мониторинга для оперативного реагирования на возникающие биологические угрозы» по специальностям 1.5.10. Вирусология и 3.2.2. Эпидемиология принята к защите 15.09.2025 г. (Протокол заседания №36) диссертационным советом 24.1.255.01, созданным на базе ФГАНУ «ФНЦИРИП им. М.П. Чумакова РАН» (Институт полиомиелита) Минобрнауки России (108819, город Москва, внутренний территориальный городской муниципальный округ Филимонковский, посёлок Института полиомиелита, дом 8, корпус 1), Приказ Министерства науки и высшего образования Российской Федерации о выдаче разрешения на создание диссертационного совета №188-нк от 10 марта 2021 г.

Соискатель Дедков Владимир Георгиевич, 12 декабря 1974 года рождения.

В 2008 году соискатель окончил Государственное образовательное учреждение высшего профессионального образования «Московская медицинская академия им. И.М. Сеченова» Федерального агентства по здравоохранению и социальному развитию, присвоена квалификация – врач по специальности «медико-профилактическое дело» (Диплом ВСГ 1143502 от 28.06.2008 г.).

Диссертацию на соискание ученой степени кандидата медицинских наук на тему: «Эпидемиологическая значимость вируса Кемерово на территории

Российской Федерации» по специальности 14.02.02. - эпидемиология защитил в 2016 году в диссертационном совете Д 208.114.01, созданном на базе Федерального бюджетного учреждения науки «Центральный научно-исследовательский институт эпидемиологии» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека.

Работает заместителем директора по научной работе и руководителем отдела эпидемиологии (совместительство) Федерального бюджетного учреждения науки «Санкт-Петербургский научно-исследовательский институт эпидемиологии и микробиологии им. Пастера» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека (ФБУН НИИ эпидемиологии и микробиологии имени Пастера).

Диссертация в виде научного доклада выполнена в отделе эпидемиологии Федерального бюджетного учреждения науки «Санкт-Петербургский научно-исследовательский институт эпидемиологии и микробиологии им. Пастера» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека.

Научный консультант – Попова Анна Юрьевна, доктор медицинских наук, профессор, руководитель Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека, Главный государственный санитарный врач Российской Федерации.

Официальные оппоненты:

Лобзин Юрий Владимирович – академик РАН, профессор, доктор медицинских наук, Заслуженный деятель науки Российской Федерации, Почетный Президент Федерального государственного бюджетного учреждения «Федеральный научно-клинический центр инфекционных болезней Федерального медико-биологического агентства» – выступающий в качестве специалиста по специальности – 1.5.10. Вирусология.

Михайлов Михаил Иванович – академик РАН, профессор, доктор медицинских наук, главный научный сотрудник лаборатории молекулярной эпидемиологии вирусных гепатитов Федерального бюджетного учреждения науки «Центральный научно-исследовательский институт эпидемиологии» Федеральной службы по

надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека – выступающий в качестве специалиста по специальности – 3.2.2. Эпидемиология.

Руденко Лариса Георгиевна – доктор медицинских наук, профессор, Заслуженный деятель науки РФ, главный научный сотрудник отдела вирусологии и иммунологии имени академика РАМН А.А. Смородинцева Федерального государственного бюджетного научного учреждения «Институт экспериментальной медицины» – выступающий в качестве специалиста по специальности – 1.5.10. Вирусология

дали положительные отзывы на диссертацию в виде научного доклада.

Ведущая организация Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Научно-исследовательский институт вакцин и сывороток им. И.И. Мечникова» Министерства науки и высшего образования Российской Федерации (105064, Москва, Малый Казенный переулок, д.5А) в своем положительном отзыве, подписанном доктором медицинских наук, профессором, заведующим лабораторией эпидемиологического анализа и мониторинга инфекционных заболеваний Каира Аллой Николаевной и утвержденном директором академиком РАН Свитич Оксаной Анатольевной в установленном порядке 27.10.2025 г., указала, что диссертация в виде научного доклада В.Г. Дедкова на тему: «Система молекулярно-эпидемиологического мониторинга для оперативного реагирования на возникающие биологические угрозы» является законченной научно-квалификационной работой, в которой содержится решение актуальной проблемы, имеющей существенное значение для вирусологии и эпидемиологии: полученные в работе результаты можно будет использовать для внедрения в практику эпидемиологического мониторинга вирусных инфекций и при разработке отечественных тест-систем для диагностики инфекционных заболеваний вирусной этиологии. Результаты проведенных исследований представляют собой комплекс выполненных соискателем научных исследований необходимый для создания системы непрерывного молекулярно-генетического мониторинга опасных инфекционных заболеваний человека с целью оперативного реагирования на возникающие биологические угрозы.

Диссертация в виде научного доклада Дедкова В.Г. полностью соответствует требованиям п.п. 9-14 «Положения о присуждении ученых степеней», утвержденного постановлением Правительства Российской Федерации от 24 сентября 2013 г. №842 в редакции постановлений Правительства РФ от 30.07.2014 г. № 723, от 21.04.2016 г. №335, от 02.08.2016 г. № 748, от 29.05.2017 г. №650, от 28.08.2017 г. № 1024, от 01.10.2018 г. № 1168, от 26.05.2020 г. № 751, от 20.03.2021 г. №426, от 11.09.2021 г. №1539, от 26.09.2022 г. №1690, 26.01.2023 г. №101, 18.03.2023 г. №415, 26.10.2023 г. №1786, от 25.01.2024 № 62, от 16.10.2024 №1382 с изменениями от 01.01.2025 г.), предъявляемым к докторским диссертациям, а ее автор, Дедков Владимир Георгиевич, заслуживает присуждения ему ученой степени доктора медицинских наук по специальностям 1.5.10. Вирусология и 3.2.2. Эпидемиология.

Соискатель имеет 235 опубликованных работ, в том числе по теме диссертационного исследования опубликовано 72 научные публикации, из них статей, опубликованных в Перечне рецензируемых научных изданий, в которых должны быть опубликованы основные научные результаты диссертаций на соискание ученых степеней доктора наук (Перечень ВАК), а также индексируемых в международных базах Web of Science, Scopus – 52 (Квартиль WoS/Scopus Q1, Q2, перечень ВАК: K1, K2), научных обзоров – 3, получено патентов на изобретение РФ – 17, а также глав монографий – 14.

В процессе выполнения диссертации в виде научного доклада разработаны молекулярно-диагностические методики для выявления генетических маркеров вирусов рода Эбола и рода Марбург, вируса Ласса, вируса Луйо, вируса клещевого энцефалита, коронавируса SARS-CoV-2, вируса оспы обезьян, модифицированного вакцинного штамма (nOPV2) типа 2 вируса полиомиелита, вируса кори, вируса Нипах, вируса SFTSV, вируса Хунин, вируса Хендра, вируса Гуанарито, вируса Мачупо, вируса Крымской геморрагической лихорадки.

Депонированы в международную базу GenBank NCBI 2 нуклеотидные последовательности вируса Парамушир, 1 последовательность вируса Вад Медани, 2 последовательности вирусов бешенства, 2 последовательности вируса Нгари, 2 последовательности вируса Дугбе, 2 последовательности вируса Эбола Заир.

Разработана методика высокопроизводительного секвенирования вирусов Эбола Заир, Парамушир, Дугбе.

Разработанные молекулярно-диагностические методики послужили основой для создания диагностических наборов АмплиСенс® EBOV-Zaire-F1 (ПУ РЗН 2014/2036), АмплиСенс® FiloA-screen-F1 (ПУ РЗН 2018/7265), АмплиСенс® FiloB-screen-F1, АмплиСенс® RABV-F1, АмплиСенс® LASV-F1 COVID-19Amp (ПУ РЗН 2020/10498), nOPV2-AmpPS (ПУ МИ-RUBY-000108), MPX-AmpPS, MV-AmpPS (ПУ МИ-RUBY-000105), NIPV-AmpPS, HENV-AmpPS, которые внедрены в практику.

Наиболее значимые работы по теме диссертации:

1. **Dedkov V.G.**, Magassouba N.F., Safonova M.V. et al. / Sensitive Multiplex Real-time RT-qPCR Assay for the Detection of Filoviruses // Health Security. – 2018. – V. 16. – N. 1. – P. 14-21. DOI: 10.1089/hs.2017.0027 Квартиль Web of Science: Q3. Квартиль Scopus: **Q2**.
2. **Dedkov V.G.**, Magassouba N.F., Safonova M.V. et al. / Development and Evaluation of a One-Step Quantitative RT-PCR Assay for Detection of Lassa Virus // Journal of Virological Methods. – 2019. – V. 271. – P. 113674. DOI: 10.1016/j.jviromet.2019.113674 Квартиль Scopus: Q3. Перечень ВАК **K1**.
3. Safonova M.V., Shchelkanov M.Y., Khafizov K.F., **Dedkov V.G.** et al. / Sequencing and genetic characterization of two strains Paramushir virus obtained from the Tyuleniy Island in the Okhotsk Sea (2015) // Ticks and Tick-Borne Diseases. – 2019. – V. 10. – N. 2. – P. 269-279. DOI: 10.1016/j.ttbdis.2018.11.004 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
4. Naidenova E.V., Zakharov K.S., Kartashov M.Y., **Dedkov V.G.** et al. / Prevalence of Crimean-Congo hemorrhagic fever virus in rural areas of Guinea // Ticks and Tick-Borne Diseases. – 2020. – V. 11. – N. 5. – P. 101475. DOI: 10.1016/j.ttbdis.2020.101475 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
5. Safonova M.V., Gmyl A.P., Lukashev A.N., **Dedkov V.G.** et al. / Genetic diversity of Kemerovo virus and phylogenetic relationships within the Great Island virus genetic group // Ticks and Tick-Borne Diseases. – 2020. – V. 11. – N. 2. – P. 101333. DOI: 10.1016/j.ttbdis.2019.101333 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.

6. Goncharova E.A., **Dedkov V.G.**, Dolgova A.S. et al. / One-step quantitative RT-PCR assay with armored RNA controls for detection of SARS-CoV-2 // Journal of Medical Virology. – 2021. – V. 93. – N. 3. – P. 1694-1701. DOI: 10.1002/jmv.26540 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
7. **Dedkov V.G.**, Dolgova A.S., Safonova M.V. et al. // Ticks and Tick-Borne Diseases. – 2021. – V. 12. – N. 2. – P. 101612. DOI: 10.1016/j.ttbdis.2020.101612 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
8. Gladkikh A.S., Dolgova A.S., **Dedkov V.G.** et al. / Characterization of a Novel SARS-CoV-2 Genetic Variant with Distinct Spike Protein Mutations // Viruses. – 2021. – V. 13. – N. 6. – P. 1029. DOI: 10.3390/v13061029 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
9. Dedkov V.G., Magassouba N.F., Stukolova O.A. et al. / Differential Laboratory Diagnosis of Acute Fever in Guinea: Preparedness for the Threat of Hemorrhagic Fevers // International Journal of Environmental Research and Public Health. – 2021. – V. 18. – N. 11. – P. 6022. DOI: 10.3390/ijerph18116022 Квартиль Scopus: **Q2**.
10. Koopmans M., Daszak P., **Dedkov V.G.** et al. / Origins of SARS-CoV-2: window is closing for key scientific studies // Nature. – 2021. – V. 596. – P. 482-485. DOI: 10.1038/d41586-021-02263-6 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
11. Volynkina A.S., Lisitskaya Y.V., Kolosov A.V., **Dedkov V. G.** et al. / Molecular epidemiology of Crimean-Congo hemorrhagic fever virus in Russia // PLoS One. – 2022. – V. 17. – N. 5. – P. e0266177. DOI: 10.1371/journal.pone.0266177 Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q1**.
12. Gladkikh A.S., **Dedkov V.G.**, Sharova A.A. et al. / Uninvited Guest: Arrival and Dissemination of Omicron Lineage SARS-CoV-2 in St. Petersburg, Russia // Microorganisms. – 2022. – V. 10. – N. 8. – P. 1676. DOI: 10.3390/microorganisms10081676 Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q2**.

13. Gladkikh A.S., **Dedkov V.G.**, Sharova A.A. et al. / Epidemiological Features of COVID-19 in Northwest Russia in 2021 // *Viruses*. – 2022. – V. 14. – N. 5. – P. 931. DOI: 10.3390/v14050931 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
14. Dolgova A.S., **Dedkov V.G.**, Safonova M.V., Faye O. / Current View on Genetic Relationships within the Bunyamwera Serological Group // *Viruses*. – 2022. – V. 14. – N. 6. – P. 1135. DOI: 10.3390/v14061135 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
15. Сафонова М.В., Симонова Е.Г., Лопатин А., Долгова А.С., **Дедков В.Г.** / Разработка критериев количественной оценки эпидемического потенциала природно-очаговых инфекций вирусной этиологии // *Инфекция и иммунитет*. – 2022. – Т. 12. – № 4. – С. 745-754. DOI: 10.15789/2220-7619-DOQ-1926 Перечень ВАК **K1**.
16. Badji A., Ndiaye M., Gaye A., **Dedkov V.G.** et al. / Detection of Crimean-Congo Haemorrhagic Fever Virus from Livestock Ticks in Northern, Central and Southern Senegal in 2021 // *Tropical Medicine and Infectious Disease*. – 2023. – V. 8. – N. 6. – P. 317. DOI: 10.3390/tropicalmed8060317 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q2**.
17. Gladkikh A.S., Cao T.M., Klyuchnikova E.O., **Dedkov V.G.** et al. / Near complete genome sequences from Southern Vietnam revealed local features of genetic diversity and intergenerational changes in SARS-CoV-2 variants in 2020-2021 // *BMC Infectious Diseases*. – 2023. – V. 23. – N. 1. – P. 806. DOI: 10.1186/s12879-023-08814-8 Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q1**.
18. Gladkikh A.S., Klyuchnikova E.O., Pavlova P.A., **Dedkov V.G.** et al. / Comparative Analysis of Library Preparation Approaches for SARS-CoV-2 Genome Sequencing on the Illumina MiSeq Platform // *International Journal of Molecular Sciences*. – 2023. – V. 24. – N. 3. – P. 2374. DOI: 10.3390/ijms24032374 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
19. Kirichenko A.S., Bryushkova E.A., Dedkov V.G., Dolgova A.S. / A Novel DNazyme-Based Fluorescent Biosensor for Detection of RNA-Containing Nipah Henipavirus // *Biosensors*. – 2023. – V. 13. – N. 2. – P. 252. DOI: 10.3390/bios13020252 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q2**.

20. Mhamadi M., Dieng I., Dolgova A.S., **Dedkov V.G.** et al. / Whole Genome Analysis of African Orthobunyavirus Isolates Reveals Naturally Interspecies Segments Recombinations between Bunyamwera and Ngari Viruses // *Viruses*. – 2023. – V. 15. – N. 2. – P. 550. DOI: 10.3390/v15020550 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
21. Speranskaya A.S., Artiushin I.V., Samoilov A.E., **Dedkov V.G.** et al. / Identification and Genetic Characterization of MERS-Related Coronavirus Isolated from Nathusius' Pipistrelle (*Pipistrellus nathusii*) near Zvenigorod (Moscow Region, Russia), 2023 // *International Journal of Environmental Research and Public Health*. – 2023. – V. 20. – N. 4. – P. 3702. DOI: 10.3390/ijerph20043702 Квартиль Scopus: **Q2**.
22. Dolgova A.S., Kanaeva O.I., Antonov S.A., **Dedkov V.G.** et al. / Qualitative real-time RT-PCR assay for nOPV2 poliovirus detection // *Journal of Virological Methods*. – 2024. – V. 329. – P. 114984. DOI: 10.1016/j.jviromet.2024.114984 Квартиль Scopus: **Q3**. Перечень ВАК **K1**.
23. Ivanova, O.E., Ereemeeva T.P., Baykova O.Y., **Dedkov V.G.** et al. / Detection of Polioviruses Type 2 among Migrant Children Arriving to the Russian Federation from a Country with a Registered Poliomyelitis Outbreak // *Vaccines*. – 2024. – V. 12. – N. 7. – P. 718. DOI: 10.3390/vaccines12070718 Квартиль Scopus: **Q3**. Перечень ВАК **K1**.
24. Korneenko E.V., Samoilov A.E., Chudinov I.K., **Dedkov V.G.** et al. / Alphacoronaviruses from *Pipistrellus* bats captured in European Russia in 2015 and 2021 are closely related to those of Northern Europe // *Frontiers in Ecology and Evolution*. – 2024. – V. 12. – P. 1324605. DOI: 10.3389/fevo.2024.1324605 Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q1**.
25. Ndiaye M., Badji A., Dieng I., Dedkov V.G. et al. / Molecular Detection and Genetic Characterization of Two Dugbe Orthonairovirus Isolates Detected from Ticks in Southern Senegal // *Viruses*. – 2024. – V.16. – N. 6. – P. 964. DOI: 10.3390/v16060964 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.
26. Sharova A.A., Tokarevich N.K., Baimova R.R., Dedkov V.G. et al. / Prevalence and genetic diversity of tick-borne encephalitis virus in ixodid ticks from specific regions of northwestern Russia. // *PLoS One*. – 2025. – V. 20. – N. 1. – e0314385.

DOI: 10.1371/journal.pone.0314385 Квартиль Web of Science: **Q2**. Квартиль Scopus: **Q1**.

27. Chayeb V.A., Dolgova A.S., Popova M.R., Dedkov V.G. et al. / Development and Evaluation of a New Measles Detection Assay Using Real-Time RT-PCR. // International Journal of Molecular Sciences. – 2025. – V. 26. – N. 5. – 1801. DOI: 10.3390/ijms26051801 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.

28. Venter M., Manuguerra J.-C., Alviola Ph., Dedkov V.G. et al. / Scientific Advisory Committee for the Origins of Novel Pathogens (SAGO) and WHO SAGO Secretariat. A WHO global framework to guide investigations into origins of potentially epidemic and pandemic pathogens // Nature Communications. – 2025. – V. 16. – P. 2122. DOI: 10.1038/s41467-025-57218-6 Квартиль Web of Science: **Q1**. Квартиль Scopus: **Q1**.

На основании выполненных научных исследований, достаточно полно изложенных в опубликованных работах, автором впервые предложена концепция модульного научно-исследовательского комплекса своевременного реагирования на биологические угрозы, позволяющая адекватно и оперативно отвечать на возникающие угрозы биологического характера. Созданный алгоритм экстренной разработки средств молекулярной детекции вирусов позволил соискателю разрабатывать диагностические наборы на основе метода ОТ-ПЦР/ПЦР-РВ. Созданный алгоритм позволил разработать методики выявления генетических маркеров актуальных и особо опасных возбудителей вирусной этиологии, имеющий важное значение в совершенствовании эпидемиологического надзора в РФ.

Разработанные алгоритмы расшифровки этиологии инфекционных заболеваний, а также рутинного генетического мониторинга методами высокопроизводительного секвенирования позволили соискателю оперативно выявлять редко встречающиеся, либо неизвестные ранее патогены. Предложенная концепция оценки эпидемического потенциала вновь выявляемых и редких инфекционных агентов вирусной этиологии имеет важное значение для внедрения в эпидемиологический надзор, поскольку позволяет эмпирически оценить их

потенциальную опасность и объем дополнительных исследований, необходимых для предотвращения распространения выявленной инфекции.

Диссертация в виде научного доклада проверена в системе «Антиплагиат.Эксперт», проведенный анализ показал, что автором рукописи диссертации в виде научного доклада были правомерно использованы ранее опубликованные тексты в объемах, оправданных целями цитирования, с указанием необходимых ссылок на используемые источники информации и соблюдением авторских прав правообладателей. Неправомерных совпадений 0%. Доля уникального авторского текста в работе может быть определена как сумма показателей «оригинальность» и «самоцитирования» и составляет 97,33%.

На диссертацию в виде научного доклада поступили отзывы от:

Львова Дмитрия Константиновича, академика РАН, профессора, доктора медицинских наук, главного научного сотрудника Института вирусологии им. Д.И. Ивановского Федерального государственного бюджетного учреждения «Национальный исследовательский центр эпидемиологии и микробиологии имени почётного академика Н. Ф. Гамалеи» Министерства здравоохранения Российской Федерации;

Агафонова Александра Петровича, доктора биологических наук, генерального директора Федерального бюджетного учреждения науки Государственный научный центр вирусологии и биотехнологии «Вектор» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека;

Борисевича Сергея Владимировича, академика РАН, профессора, доктора биологических наук, начальника Федерального государственного бюджетного учреждения «48 Центральный научно-исследовательский институт» Министерства обороны Российской Федерации и Маркова Виктора Ивановича, кандидата медицинских наук, главного научного сотрудника управления Федерального государственного бюджетного учреждения «48 Центральный научно-исследовательский институт» Министерства обороны Российской Федерации;

Кутырева Владимира Викторовича, академика РАН, профессора, доктора медицинских наук, директора Федерального казенного учреждения науки

Российский противочумный институт «Микроб» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека.

В отзывах отмечено, что в ходе диссертационного исследования были получены новые знания о генетическом разнообразии опасных и редких вирусов, циркулирующих на территории Российской Федерации и за рубежом. Критических замечаний по содержанию диссертации в виде научного доклада не сделано. На основании анализа текста диссертации в виде научного доклада сделан вывод о том, что диссертация в виде научного доклада представляет собой законченную научно-квалификационную работу и соответствует требованиям, предъявляемым к диссертациям на соискание ученой степени доктора наук.

Выбор официальных оппонентов и ведущей организации обосновывается их компетентностью, большим опытом работы в изучении различных вопросов вирусологии и эпидемиологии, разработки средств диагностики, эпидемиологического мониторинга, лечения и специфической профилактики вирусных инфекций, известностью специалистов и организаций в области изучаемой проблемы.

Диссертационный совет отмечает, что на основании выполненных соискателем исследований:

разработаны молекулярно-диагностические методики для выявления генетических маркеров вирусов рода Эбола и рода Марбург, вируса Ласса, вируса Луйо, вируса клещевого энцефалита, коронавируса SARS-CoV-2, вируса оспы обезьян, нового вакцинного штамма (nOPV2) типа 2 вируса полиомиелита, вируса кори, вируса Нипах, вируса тяжелой лихорадки с тромбоцитопеническим синдромом (SFTSV), вируса Хунин, вируса Хендра, вируса Гуанарито, вируса Мачупо, вируса Крымской-Конго геморрагической лихорадки;

предложена усовершенствованная концепция научно-исследовательского комплекса своевременного реагирования на биологические угрозы инфекционной природы и алгоритм экстренной разработки средств молекулярной детекции патогенных микроорганизмов;

доказана способность множественной межсегментной внутривидовой реассортации вирусов Парамушир, Вад Медани, Дугбе, Нгари;

введена новая трактовка понятия «эпидемический потенциал» возбудителя, как совокупности его свойств, определяющих способность вызывать эпидемический процесс и осложнения эпидемиологической ситуации;

получены 15 полногеномных последовательностей опасных вирусов Эбола Заир (*Orthoebolavirus*), Крымской-Конго геморрагической лихорадки (*Orthonairovirus*), Нгари (*Orthobunyavirus*), а также вирусов Дугбе (*Orthonairovirus*), Парамушир (*Orthonairovirus*), Вад Медани (*Orbivirus*) – потенциальных возбудителей инфекционных заболеваний человека и животных;

разработана методика, высокопроизводительного секвенирования вирусов Эбола Заир, Парамушир, Дугбе;

оценено генетическое разнообразие вирусов Парамушир, Вад Медани, Дугбе, Нгари и механизмы его формирования на территории РФ.

Теоретическая значимость исследования обоснована тем, что:

предложена методика оценки эпидемического потенциала редких и вновь выявляемых агентов вирусной этиологии;

применительно к проблематике диссертации эффективно использованы современные методы исследования, применены адекватные методы обработки экспериментальных данных, а объем и качество проанализированного материала являются достаточными для решения поставленных задач и получения репрезентативных данных;

изложены принципы организации модульного научно-исследовательского комплекса своевременного реагирования на биологические угрозы, позволяющие адекватно и оперативно отвечать на возникающие угрозы биологического характера и способ оценки эпидемической опасности вновь выявляемых и редких инфекционных агентов вирусной этиологии;

раскрыты подходы использования высокопроизводительного секвенирования для оперативной расшифровки этиологии инфекционных заболеваний, а также для рутинного генетического мониторинга;

изучены механизмы формирования генетической изменчивости вирусов Парамушир, Вад Медани, Дугбе, Нгари.

Значение полученных соискателем результатов исследования для практики подтверждается тем, что:

разработаны и внедрены в практику эпидемиологического надзора наборы реагентов АмплиСенс® EBOV-Zaire-F1 (ПУ РЗН 2014/2036), АмплиСенс® FiloA-screen-F1 (ПУ РЗН 2018/7265), АмплиСенс® FiloB-screen-F1, АмплиСенс® RABV-F1, АмплиСенс® LASV-F1 COVID-19Amp (ПУ РЗН 2020/10498), nOPV2-AmpPS (ПУ МИ-RUBY-000108), MV-AmpPS (ПУ МИ-RUBY-000105), что подтверждается наличием регистрационных удостоверений;

определен порядок применения разработанных методик в рамках проведения предэпидемического мониторинга с целью обеспечения биологической безопасности населения Российской Федерации;

создана система практических рекомендаций по оперативной разработке средств молекулярной диагностики;

представлены рекомендации научным учреждениям, занимающимся реализацией Федерального проекта «Санитарный щит – безопасность для здоровья (предупреждение, выявление, реагирование)» по внедрению разработанных подходов к изучению разнообразия и экологии вирусов позвоночных.

Оценка достоверности результатов исследования выявила, что:

для экспериментальных работ результаты получены на современном оборудовании, подтверждены проведением экспериментов с использованием обширного комплекса адекватных методов исследования и статистического анализа, корректных положительных и отрицательных контролей, проверкой воспроизводимости результата в независимых экспериментах, критической оценкой полученных результатов при сравнении с данными современной научной литературы;

теория исследования построена на известных проверенных данных и согласуется с опубликованными данными по теме диссертации;

идея базируется на анализе теоретических и практических данных отечественных и зарубежных ученых в области молекулярно-генетического мониторинга вирусных инфекций и конструирования молекулярно-генетических тест-систем для диагностики вирусных заболеваний;

установлено, что результаты исследований согласуются с результатами других авторов, представленными в независимых источниках, и существенно дополняют их;

использованы современные методики сбора и обработки исходной информации, представлены результаты экспериментов, примеры расчётов основных величин и проведения сравнения с обоснованием выбора метода статистической обработки. Представленный объем материала и качество проведенных исследований являются достаточными для решения поставленных задач и отвечают существующим требованиям, что позволяет рассматривать представленные результаты, научные положения, выводы и рекомендации как обоснованные и достоверные.

Личный вклад соискателя состоит в:

непосредственном участии на всех этапах диссертационного исследования, автором самостоятельно проведено планирование и организация всех этапов диссертационного исследования; определены цели и задачи, разработаны протоколы экспериментов, осуществлено их проведение, а также сбор и анализ экспериментальных данных, их статистическая обработка и визуализация для публикации. Результаты исследования представлены на российских и международных конференциях, подготовлены публикации, содержащие основные результаты диссертационного исследования. Диссертация в виде научного доклада охватывает основные вопросы поставленной научной проблемы и соответствует критериям внутреннего единства, что подтверждается наличием последовательного плана исследования, непротиворечивой методологической платформы, идейной линии, концептуальности и взаимосвязи выводов. Автором сформулированы основные положения и выводы диссертации в виде научного доклада. С участием автора подготовлены основные публикации по материалам исследования. Все выводы и практические рекомендации диссертации в виде научного доклада логично выстроены на основе полученных результатов и соответствуют цели и задачам работы.

В ходе защиты диссертации в виде научного доклада соискатель Дедков В.Г. ответил на задаваемые ему вопросы и привел собственную аргументацию.

На заседании 17.12.2025 г. диссертационный совет принял решение:

за большой вклад в решение научной проблемы, имеющей важное народно-хозяйственное значение, создания системы непрерывного молекулярно-генетического мониторинга для оперативного реагирования на возникающие биологические угрозы, имеющей в совокупности существенное значение для развития медицинской науки, в области вирусологии и эпидемиологии, внедрение которых вносит значительный вклад в развитие страны, присудить Дедкову В.Г. учёную степень доктора медицинских наук.

При проведении тайного голосования диссертационный совет в количестве 22 человека, из них 9 докторов по специальности 1.5.10. Вирусология (медицинские науки), 7 докторов по специальности 1.5.10. Вирусология (биологические науки), 2 кандидата наук по специальности 1.5.10. Вирусология (медицинские/биологические науки), участвовавших в заседании, из 21 человека, входящего в состав совета, дополнительно введены на разовую защиту 4 человека доктора медицинских наук по специальности 3.2.2. Эпидемиология проголосовали: за – 22, против – 0, недействительных бюллетеней – 0.

Председатель

диссертационного совета 24.1.255.01

академик РАН, профессор, доктор медицинских наук

Ученый секретарь

диссертационного совета 24.1.255.01

кандидат биологических наук

«17» декабря 2025 г.



А.А. Ишмухаметов

А.В. Белякова