

СВЕДЕНИЯ ОБ ОФИЦИАЛЬНОМ ОППОНЕНТЕ

Поройков Владимир Васильевич, доктор биологических наук, профессор, член-корреспондент РАН, выступающий официальным оппонентом по диссертации Козловской Любови Игоревны «Фенотип-направленный анализ противовирусной активности потенциальных лекарственных препаратов в отношении РНК-содержащих вирусов» на соискание ученой степени доктора биологических наук, по научной специальности 1.5.10 – «Вирусология»

1	Фамилия, имя, отчество	Поройков Владимир Васильевич
2	Ученая степень	доктор биологических наук
3	Отрасль науки	Биологические науки
4	Научная специальность, по которой защищена диссертация	Фармакология
5	Ученое звание (в соответствии с аттестатом)	профессор (биохимия), профессор (математическая биология, биоинформатика), член-корреспондент РАН (медицинская биоинформатика)
6	Полное наименование (в соответствии с Уставом, в т.ч. ведомственная принадлежность) организации, являющейся основным местом работы на момент предоставления отзыва в диссертационный совет.	Федерального государственное бюджетное научное учреждение «Научно-исследовательский институт биомедицинской химии имени В. Н. Ореховича»
7	Структурное подразделение, должность.	Главный научный сотрудник, заведующий отделом биоинформатики и лабораторией структурно-функционального конструирования лекарств
8	Почтовый адрес, телефон, адрес электронной почты, адрес сайта организации	119121, Москва, ул. Погодинская, д. 10, стр. 8, +7 499 246-69-80, dir@ibmc.msk.ru
9	Список основных публикаций по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние пять лет (не более 15 публикаций), перечень согласно ГОСТ	<p>Tarasova O.A., Biziukova N.Yu., Shemshura A.B., Filimonov D.A., Kireev D.E., Pokrovskaya A.V., Poroikov V.V. Identification of molecular mechanisms involved into viral infection progression based on text-mining: case study for HIV-infection. <i>International Journal of Molecular Sciences</i>, 2023, 24 (2), 1465.</p> <p>Pikalyova K., Orlov A., Lin A., Tarasova O., Marcou G., Horvath D., Poroikov V., Varnek A. HIV-1 drug resistance profiling using amino acid sequence space cartography. <i>Bioinformatics</i>, 2022, 38 (8), 2307-2314.</p> <p>Tarasova O., Poroikov V. Machine learning in discovery of new antivirals and optimization of viral infections therapy. <i>Current Medicinal Chemistry</i>, 2021, 28, 7840-7861.</p> <p>Muratov E.N., Amaro R., Andrade C.H., Brown N., Ekins S., Fourches D., Isayev O., Kozakov D., Medina-Franco J., Merz K.M., Oprea T.I., Poroikov V., Schneider G., Todd M.H., Varnek A., Winkler D.A., Zakharov A., Cherkasov</p>

A., Tropsha A. A critical overview of computational approaches employed for COVID-19 drug discovery. *Chemical Society Reviews*, 2021, 50 (16), 9121-9151.

Tarasova O., Rudik A., Kireev D., **Poroikov V.** RHIVDB: A freely accessible database of HIV amino acid sequences and clinical data of infected patients. *Frontiers in Genetics*, 2021, 12, 679029.

Biziukova N., Tarasova O., Ivanov S., **Poroikov V.** Automated extraction of information from texts of scientific publications: insights into HIV treatment strategies. *Frontiers in Genetics*, 2020, 11, 618862.

Ionov N., Pogodin P., **Poroikov V.** Assessing the Prediction Quality of the Anti-SARS-CoV-2 Activity Using the D3Targets-2019-nCoV Web Service. *Biomedical Chemistry: Research and Methods*, 2020, 3 (4), e00140.

Druzhilovskiy D.S., Stolbov L.A., Savosina P.I., Pogodin P.V., Filimonov D.A., Veselovsky A.V., Stefanisko K., Tarasova N.I., Nicklaus M.C., **Poroikov V.V.** Computational approaches to identify a hidden pharmacological potential in large chemical libraries. *Supercomputing Frontiers and Innovations*, 2020, 7 (3), 57-76.

Savosina P.I., Druzhilovskiy D.S., **Poroikov V.V.** COVID-19: Analysis of drug repositioning practice. *Pharmaceutical Chemistry Journal*, 2021, 54 (10), 989-996.

Поройков В.В. Компьютерное конструирование лекарств: от поиска новых фармакологических веществ до системной фармакологии. *Биомедицинская химия*, 2020, 66 (1), 30-41.

Stolbov L., Druzhilovskiy D., Rudik A., Filimonov D., **Poroikov V.**, Nicklaus M. AntiHIV-Pred: Web-resource for in silico prediction of anti-HIV/AIDS activity. *Bioinformatics*, 2020, 36 (3), 978-979.

Tarasova O., Biziukova N., Kireev D., Lagunin A., Ivanov S., Filimonov D., **Poroikov V.** Computational approach for prediction of treatment history, immunological and virological failure of antiretroviral therapy. *International Journal of Molecular Sciences*, 2020, 21(3), 748.

Stolbov L.A., Druzhilovskiy D.S., Filimonov D.A., Nicklaus M.C., **Poroikov V.V.** (Q)SAR models of HIV-1 proteins inhibition by drug-like compounds. *Molecules*, 2020, 25, 87.

Савосина П.И., Столбов Л.А., Дружиловский Д.С., Филимонов Д.А., Никлаус М., **Поройков В.В.** Поиск новых антиретровирусных соединений в химическом пространстве “больших данных” библиотеки SAVI. *Биомедицинская химия*, 2019, 65 (2), 73-79.

	Tarasova O., Biziukova N., Filimonov D., Poroikov V. A. computational approach for the prediction of HIV resistance based on amino acid and nucleotide descriptors. <i>Molecules</i> , 2018, 23 (11), 2751.
--	---

Согласен (на) на обработку персональных данных.

Я не являюсь: Министром образования и науки Российской Федерации, государственным (муниципальным) служащим, выполняющим работу, которая влечет за собой конфликт интересов, способных повлиять на принимаемые решения по вопросам государственной научной аттестации, членом Комиссии и экспертного совета ВАК, членом диссертационного совета, принявшего диссертацию к защите, научным руководителем соискателя ученой степени, соавтором соискателя ученой степени по опубликованным работам по теме диссертации, работником, в том числе по совместительству организации, где выполнялась диссертация и работает соискатель ученой степени, его научный руководитель и научный консультант, а также где ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации – заказчика или исполнителем (п. 22. Постановления №842 «О порядке присуждения ученых степеней»).

Официальный оппонент:

доктор биологических наук, кандидат физико-математических наук, профессор, член-корреспондент РАН
 Главный научный сотрудник, заведующий отделом биоинформатики и лабораторией структурно-функционального конструирования лекарств ФГБНУ «Научно-исследовательский институт биомедицинской химии имени В. Н. Ореховича»



В.В. Пороиков



Ученый секретари ИБХ
 к. х. н.



(Карпова Е. А.)

12.09.2023 г.